INFORMAZIONI PERSONALI

Daniela Pagnozzi

Data di nascita 21/09/1978 | **Nazionalità** Italiana

Profilo Google scholar https://scholar.google.it/citations?user=D_llYooAAAAJ&hl=it
Profilo Researchgate: http://www.researchgate.net/profile/Daniela_Pagnozzi

ESPERIENZA PROFESSIONALE

Dal 29 Gennaio 2020 ad oggi

Responsabile del Settore Ricerca Biotecnologie Applicate - Quadro - CCNL del Commercio e Terziario

Titolare di un contratto di lavoro a tempo indeterminato, in qualità di Quadro - Responsabile del Settore Ricerca Biotecnologie Applicate, presso Porto Conte Ricerche S.r.l., Alghero (SS). Le attività svolte riguardano il coordinamento del personale e dei progetti afferenti al settore, che comprende i Laboratori di Proteomica e Immunodiagnostica, NMR e Chimica Analitica e Genetica molecolare, il supporto all'Amministratore Unico nella programmazione strategica delle attività di ricerca e nella pianificazione delle attività annuali e pluriennali e nella predisposizione dei relativi piani finanziari. La attività riguardano, inoltre, la gestione delle procedure di acquisizione di beni e servizi necessari al settore in qualità di Responsabile Unico del Procedimento e la partecipazione ai seggi ed alle commissioni di gara e di selezione del personale.

Dal 15 Gennaio 2009 al 28 Gennaio 2020

Ricercatore di I livello CCNL del Commercio e Terziario

Titolare di un contratto di lavoro a tempo indeterminato, in qualità di Coordinatore del Laboratorio di Proteomica e Immunodiagnostica, presso Porto Conte Ricerche S.r.l., Alghero (SS).

Le attività svolte riguardano il supporo al Responsabile di settore alla progettazione scientifica ed al coordinamento del personale coinvolto nelle linee di ricerca del Laboratorio di Proteomica e Immunodiagnostica, che vertono su approcci proteomici finalizzati a studi di biomarker discovery e sviluppo di sistemi diagnostici basati su metodiche immunoenzimatiche (ELISA, western immunoblotting) e/o immunocromatografiche (Lateral Flow), su antigeni nativi purificati e/o sintetici sviluppati a Porto Conte Ricerche, in ambito biomedico-veterinario. I programmi di ricerca svolti negli ultimi anni si inseriscono principalmente in studi finalizzati alla scoperta di marcatori e sviluppo di sistemi diagnostici per l'echinococcosi cistica (sia umana che veterinaria) e per mastiti di ruminanti, allo sviluppo di metodi per l'analisi di comunità microbiche ed alla caratterizzazione proteomica e peptidomica di alimenti di origine animale, finalizzata all'individuazione di marker di qualità nutrizionale, attività biologica e impatto del processo produttivo. La sottoscritta monitora, inoltre, il corretto funzionamento delle piattaforme strumentali, gestendo i contatti con le aziende che svolgono le operazioni di manutenzione. In aggiunta, le attività sono state volte alla gestione dei servizi scientifici e tecnologici emessi dal Laboratorio di Proteomica e Immunodiagnostica a favore di enti e imprese esterni. Infine, la sottoscritta ha partecipato all'organizzazione di scientific school e collaborato con il Responsabile del Settore Produzione alla programmazione delle procedure di acquisizione di beni e servizi ed allo svolgimento delle gare per il laboratorio di competenza, in qualità di Presidente e Commissario.

Dal 3 Settembre 2007 al 31 Dicembre 2008

Ricercatore di I livello CCNL del Commercio e Terziario

Titolare di un contratto di lavoro a tempo determinato, in qualità di esperto in spettrometria di massa, per l'esecuzione del progetto"Sviluppo di progetti biotecnologici per la diagnostica e ricerca medica", presso Porto Conte Ricerche S.r.l., Alghero (SS).

Le attività di ricerca, svolte presso il Laboratorio di Proteomica, sono state mirate principalmente allo sviluppo di metodi analitici (dalla preparazione del campione, al frazionamento, all'analisi in spettrometria di massa, fino all'elaborazione dei dati) per biomarker discovery su tessuti fissati in formalina ed inclusi in paraffina. Le tecniche impiegate riguardano, oltre alla spettrometria di massa, la cromatografia liquida, l'elettroforesi mono e bidimensionale di proteine, il western

immunoblotting ed altre procedure biochimiche. I risultati hanno consentito di pubblicare diversi manoscritti e di depositare una domanda di brevetto su biomarcatori per tumori neuroendocrini polmonari.

Dal 1 Ottobre 2006 al 2 Settembre 2007

Collaboratore a progetto

Titolare di un contratto di collaborazione coordinata e continuativa del Dipartimento di Scienze Mediche dell'Università degli studi del Piemonte Orientale "Amedeo Avogadro" per svolgere attività di ricerca sul tema "Studio dell'enzima alfa diacilglicerolo chinasi nella trasduzione del segnale chemiotattico, proliferativo e differenziativo", presso il Laboratorio di Proteomica del CEINGE Biotecnologie Avanzate. Il lavoro svolto ha richiesto l'impiego di tecniche elettroforetiche, cromatografiche, immunoenzimatiche e di spettrometria di massa.

Dal 1 Luglio 2004 al 30 Giugno 2005

Collaboratore a progetto

Titolare di un contratto di collaborazione del CEINGE Biotecnologie Avanzate di Napoli per svolgere attività di ricerca su "Identificazione di nuovi marcatori tumorali mediante analisi del corredo proteomico ed epitopico di cellule neoplastiche". Il lavoro, svolto presso il Laboratorio di Proteomica del CEINGE Biotecnologie Avanzate, ha richiesto l'impiego di tecniche elettroforetiche, cromatografiche, immunoenzimatiche e di spettrometria di massa.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Dal 1 Ottobre 2004 al 12 Dicembre 2007

Dottore di Ricerca in Scienze Chimiche

Dottorato in Scienze Chimiche, XX Ciclo, conseguito presso l'Università "Federico II" di Napoli, presentando una tesi dal titolo "Analisi conformazionale di proteine mediante metodologie di spettrometria di massa. Il lavoro, svolto presso il Laboratorio di Proteomica del CEINGE Biotecnologie Avanzate, sotto la supervisione del Prof. P. Pucci, ha riguardato l'applicazione di metodiche avanzate di proteomica strutturale e biochimica classica allo studio della conformazione assunta da proteine e complessi proteici in condizioni fisiologiche ed a seguito di alterazioni dell'ambiente chimico.

Dal 1 Ottobre 2005 al 30 Settembre 2006

Borsista

Vincitrice di un Concorso Nazionale per una borsa di studio bandita dal Dipartimento di Scienze Mediche dell'Università del Piemonte Orientale Amedeo Avogadro, per svolgere attività di ricerca sulla analisi proteomica dei partners molecolari dell'alfa diacilglicerolo chinasi. Il lavoro svolto ha richiesto l'impiego di tecniche di elettroforetiche, cromatografiche, e di spettrometria di massa.

Dal 16 Giugno 2003 al 15 Giugno 2004

Borsista

Vincitrice di un Concorso Nazionale per una borsa di studio bandita dal Dipartimento di Chimica Organica e Biochimica dell'Università di Napoli Federico II, per svolgere attività di ricerca sulla caratterizzazione strutturale di proteine coinvolte in processi di amiloidosi. Il lavoro svolto ha richiesto l'impiego di tecniche elettroforetiche, cromatografiche e di spettrometria di massa.

Ottobre 2003

Qualifica di Chimico

Abilitazione all'esercizio della professione di Chimico presso l'Università "Federico II" di Napoli.

21 Marzo 2003

Laurea in Chimica, indirizzo in Chimica Organica e Biochimica

Titolo conseguito presso l'Università degli Studi "Federico II" di Napoli, a seguito della presentazione della tesi dal titolo: "Struttura e funzione di emoglobine da specie adattate al freddo" . Votazione: 110/110 e lode.

Il lavoro di tesi è stato svolto presso presso l'istituto I.B.P. del C.N.R di Napoli, sotto la supervisione dei Proff. G. di Prisco e L. Mazzarella.
Il lavoro svolto ha richiesto l'impiego di tecniche elettroforetiche, cromatografiche e di biochimica classica.

Luglio 1996 **Diploma di maturità**

Titolo conseguito presso il Liceo Scientifico Statale "Galileo Galilei" di Napoli, votazione 58/60.

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre: Italiano

Altre lingue

	COMPRENSIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
Inglese	C1	C1	C1	C1	C1
	Studi superiori – Corso InLingua				

Livelli: A1/A2: Utente base - B1/B2: Utente intermedio - C1/C2: Utente avanzato
Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue

Competenze comunicative

Buone doti comunicative e spiccata attitudine a lavorare in gruppo, derivate dalla convinzione che la ricerca continua di una crescita personale e la cooperazione tra persone affiatate e motivate permettono di raggiungere i migliori risultati.

Competenze organizzative e gestionali

Esperienza più che decennale nel coordinamento di personale (ricercatori di II livello, collaboratori a progetto, borsisti, tesisti. Attualmente il team è composto da 6 ricercatori a tempo determinato) e nella progettazione (dalla stesura dell'idea progettuale allo study design, fino al monitoraggio dei risultati ed alla loro divulgazione) di programmi di ricerca di cui è Responsabile Aziendale, nella gestione dei contatti con le aziende esterne che effettuano le manutenzioni sulle piattaforme strumentali e con gli enti e le imprese che necessitano di un servizio analitico, nell'organizzazione e nella conduzione di varie attività aziendali di Porto Conte Ricerche (Scientific School, gare di appalto, selezioni di personale ed altro).

Competenze professionali

Elevata esperienza di metodologie avanzate di spettrometria di massa applicate al campo dell'indagine proteomica, sia in presenza che in assenza di interfaccia cromatografica a velocità di flusso nano. In particolare tra le strumentazioni utilizzate nell'arco della sua carriera, vanno annoverati sistemi quali:

- Sistemi LCMS con sorgente electrospray abbinata ad un singolo quadrupolo, per la determinazione del peso molecolare, sia mediante introduzione diretta, che per LCMS.
- Sistemi LCMSMS con sorgente nanoelectrospray abbinata ad una trappola ionica e sistema cromatografico a fase inversa, basato sulla tecnologia chip, per la caratterizzazione di pesi molecolari e sequenze peptidiche (LCMSMS).
- Sistema ibrido LCMSMS con sorgente nanoelectrospray abbinata ad un doppio analizzatore (QTOF) per la caratterizzazione di pesi molecolari e sequenze peptidiche.
- Sistema LCMSMS con sorgente nanoelectrospray abbinata a una doppia trappola ionica lineare e orbitrap (LTQ Orbitrap Velos), per la caratterizzazione ad alta risoluzione di miscele peptidiche complesse.
- Sistema LCMSMS con sorgente nanoelectrospray abbinata ad un singolo quadrupolo e orbitrap (Q Exactive), per la caratterizzazione ad alta risoluzione di miscele peptidiche complesse e analisi quantitative con metodologie target.
- Spettrometri di massa MALDI-TOF, sia lineari che reflectron, per la determinazione del peso molecolare di proteine e peptidi.

Ottima è inoltre l'esperienza maturata nell'impiego di tecniche cromatografiche basate su diversi principi chimici (fase inversa, esclusione molecolare, immunoaffinità, scambio ionico) e a diverse pressioni (HPLC, FPLC, per gravità), oltre che di tecniche elettroforetiche (SDS-PAGE, elettroforesi bidimensionale) ed immunoenzimatiche (western immunoblotting), ma anche nell'applicazione di metodologie classiche ed avanzate di chimica delle proteine, quali la sintesi peptidica in fase solida, reazioni di idrolisi chimica ed enzimatica di proteine, reazioni di cross-linking e di scambio isotopico.

Altre competenze

Buona conoscenza del sistema operativo Windows, nonché di programmi quali Office (Word, Excel, PowerPoint), Acrobat Reader e Photoshop e di software per la visualizzazione e l'elaborazione di dati da spettrometri di massa (ad es.: Xcalibur, Proteome Discoverer, Thermo Scientific; MassLynx, Waters), da lettori di piastre ELISA (Magellan, TECAN), da sintetizzatori di peptidi (PepDriver, CEM), o software per analisi statistica di dati ottenuti dai saggi immunoenzimatici (MedCalc Software, etc).

Patente di guida

B

ULTERIORI INFORMAZIONI

Pubblicazioni scientifiche su riviste internazionali peer reviewed

1. Palomba A, Melis R, Biosa G, Braca A, Pisanu S, Ghisaura S, Caimi C, Biasato I, Oddon SB, Gasco L, Terova G, Moroni F, Antonini M, Pagnozzi D, Anedda R. On the Compatibility of Fish Meal Replacements in Aquafeeds for Rainbow Trout. A Combined Metabolomic, Proteomic and Histological Study. Front Physiol. 2022 Jun 29;13:920289. doi: 10.3389/fphys.2022.920289.

2. Addis MF, Pisanu S, Monistero V, Gazzola A, Penati M, Filipe J, Di Mauro S, Cremonesi P, Castiglioni B, Moroni P, Pagnozzi D, Tola S, Piccinini R. Comparative secretome analysis of Staphylococcus aureus strains with different within-herd intramammary infection prevalence. Virulence. 2022 Dec;13(1):174-190. doi: 10.1080/21505594.2021.2024014.

3. Cabizza R, Fancello F, Petretto GL, Addis R, Pisanu S, Pagnozzi D, Piga A, Urgeghe PP. Exploring the DPP-IV Inhibitory, Antioxidant and Antibacterial Potential of Ovine "Scotta" Hydrolysates. Foods. 2021 Dec 17;10(12):3137. doi: 10.3390/foods10123137.

4. Palomba A, Tanca A, Abbondio M, Sau R, Serra M, Marongiu F, Fraumene C, Pagnozzi D,

Laconi E, Uzzau S. Time-restricted feeding induces Lactobacillus- and Akkermansia-specific functional changes in the rat fecal microbiota. NPJ Biofilms Microbiomes. 2021 Dec 3;7(1):85. doi: 10.1038/s41522-021-00256-x.

5. Biosa G, Bonelli P, Pisanu S, Ghisaura S, Santucciu C, Peruzzu A, Garippa G, Uzzau S, Masala G, Pagnozzi D. Proteomic characterization of Echinococcus granulosus sensu stricto, Taenia hydatigena and Taenia multiceps metacestode cyst fluids. Acta Trop. 2022 Feb;226:106253. doi: 10.1016/j.actatropica.2021.106253.

6. Palomba A, Abbondio M, Fiorito G, Uzzau S, Pagnozzi D, Tanca A. Comparative Evaluation of MaxQuant and Proteome Discoverer MS1-Based Protein Quantification Tools. J Proteome Res. 2021 Jul 2;20(7):3497-3507. doi: 10.1021/acs.jproteome.1c00143.

7. Cacciotto C, Addis MF, Pagnozzi D, Coradduzza E, Pittau M, Alberti A. Identification of conserved Mycoplasma agalactiae surface antigens by immunoproteomics. Vet Immunol Immunopathol. 2021 Jun;236:110239. doi: 10.1016/j.vetimm.2021.110239.

8. Pisanu S, Cacciotto C, Pagnozzi D, Uzzau S, Pollera C, Penati M, Bronzo V, Addis MF. Impact of Staphylococcus aureus infection on the late lactation goat milk proteome: New perspectives for monitoring and understanding mastitis in dairy goats. Journal of Proteomics, 2020, 221, 103763.

9. Abbondio M, Palomba A, Tanca A, Fraumene C, Pagnozzi D, Serra M, Marongiu F, Laconi E, Uzzau S (2019). Fecal metaproteomic analysis reveals unique changes of the gut microbiome functions after consumption of sourdough Carasau bread. FRONTIERS IN MICROBIOLOGY, ISSN: 1664-302X, doi: doi: 10.3389/fmicb.2019.01733.

10. Ghisaura S, Melis R, Biosa G, Pagnozzi D, Slavski H, Uzzau S, Anedda R, Addis MF (2019). Liver proteome dataset of Sparus aurata exposed to low temperatures. DATA IN BRIEF, ISSN: 2352-3409, doi: 10.1016/j.dib.2019.104419.

11. Ghisaura S, Pagnozzi D, Melis R, Biosa G, Slawski H, Uzzau S, Anedda R, Addis MF (2019). Liver proteomics of gilthead sea bream (Sparus aurata) exposed to cold stress. JOURNAL OF THERMAL BIOLOGY, vol. 82, p. 234-241, ISSN: 0306-4565, doi: 10.1016/j.jtherbio.2019.04.005.

12. Pisanu S, Cacciotto C, Pagnozzi D, Puggioni GMG, Uzzau S, Ciaramella P, Guccione J, Penati M, Pollera C, Moroni P, Bronzo V, Addis MF (2019). Proteomic changes in the milk of water buffaloes (Bubalus bubalis) with subclinical mastitis due to intramammary infection by Staphylococcus aureus and by non-aureus staphylococci.. SCIENTIFIC REPORTS, ISSN: 2045-2322, doi: 10.1038/s41598-019-52063-2.

13. Pisanu S, Biosa G, Carcangiu L, Uzzau S, Pagnozzi D (2018). A human proteomic dataset from untreated and depleted/enriched serum samples. DATA IN BRIEF, ISSN: 2352-3409, doi: 10.1016/j.dib.2018.06.042.

14. Carcangiu L, Pisanu S, Tore S, Addis MF, Zini E, Uzzau S, Pagnozzi D (2018). All Cats are Gray in the Dark: Enrichment/Depletion Approaches for Biomarker Discovery on Felis catus Plasma. PROTEOMICS, ISSN: 1615-9861, doi: 10.1002/pmic.201800191.

15. Tanca A, Abbondio M, Palomba A, Fraumene C, Marongiu F, Serra M, Pagnozzi D, Laconi E, Uzzau S (2018). Caloric restriction promotes functional changes involving short-chain fatty acid biosynthesis in the rat gut microbiota. SCIENTIFIC REPORTS, ISSN: 2045-2322, doi: 10.1038/s41598-018-33100-y.

16. Pisanu S, Cubeddu T, Cacciotto C, Pilicchi Y, Pagnozzi D, Uzzau S, Rocca S, Addis MF (2018). Characterization of paucibacillary ileal lesions in sheep with subclinical active infection by Mycobacterium avium subsp. paratuberculosis. VETERINARY RESEARCH, ISSN: 0928-4249, doi: 10.1186/s13567-018-0612-0.

17. Pisanu S, Biosa G, Carcangiu L, Uzzau S, Pagnozzi D (2018). Comparative evaluation of seven commercial products for human serum enrichment/depletion by shotgun proteomics. TALANTA, vol. 185, p. 213-220, ISSN: 0039-9140, doi: 10.1016/j.talanta.2018.03.086.

18. Posadino AM, Biosa G, Zayed H, Abou-Saleh H, Cossu A, Nasrallah GK, Giordo R, Pagnozzi D, Porcu MC, Pretti L, Pintus G (2018). Protective Effect of Cyclically Pressurized Solid-Liquid Extraction Polyphenols from Cagnulari Grape Pomace on Oxidative Endothelial Cell Death. MOLECULES, ISSN: 1420-3049, doi: 10.3390/molecules23092105.

19. Pagnozzi D, Tamarozzi F, Roggio AM, Tedde V, Addis MF, Pisanu S, Masu G, Santucciu C,

Vola A, Casulli A, Masala G, Brunetti E, Uzzau S (2018). Structural and immunodiagnostic characterization of synthetic Antigen B subunits from Echinococcus granulosus and their evaluation as target antigens for cyst viability assessment. CLINICAL INFECTIOUS DISEASES, vol. 66, ISSN: 1058-4838, doi: 10.1093/cid/cix1006.

20. Palomba A, Tanca A, Addis MF, Pagnozzi D, Uzzau S (2018). The Sarda Sheep Host Fecal Proteome. PROTEOMICS, vol. 18, ISSN: 1615-9861, doi: 10.1002/pmic.201700272.

21. Tanca A, Fraumene C, Manghina V, Palomba A, Abbondio M, Deligios M, Pagnozzi D, Addis MF, Uzzau S (2017). Diversity and functions of the sheep faecal microbiota: a multi-omic characterization. MICROBIAL BIOTECHNOLOGY, vol. 10, p. 541-554, ISSN: 1751-7915, doi: 10.1111/1751-7915.12462.

22. Addis MF, Bronzo V, Puggioni GM, Cacciotto C, Tedde V, Pagnozzi D, Locatelli C, Casula A, Curone G, Uzzau S, Moroni P (2017). Relationship between milk cathelicidin abundance and microbiologic culture in clinical mastitis. JOURNAL OF DAIRY SCIENCE, vol. 100, p. 2944-2953, ISSN: 1525-3198, doi: 10.3168/jds.2016-12110.

23. Tanca A, Addis M.F, Pisanu S, Abbondio M, Pagnozzi D, Eccher A, Rindi G, Cossu-Rocca P, Uzzau S, Fanciulli G (2016). Atypical carcinoid and large cell neuroendocrine carcinoma of the lung: a proteomic dataset from formalin-fixed archival samples. DATA IN BRIEF, vol. 7, p. 529-531, ISSN: 2352-3409, doi: 10.1016/j.dib.2016.02.083.

24. Pagnozzi D, Addis M.F, Biosa G, Roggio AM, Tedde V, Mariconti M, Tamarozzi F, Meroni V, Masu G, Masala G, Brunetti E, Uzzau S (2016). Diagnostic Accuracy of Antigen 5-Based ELISAs for Human Cystic Echinococcosis. PLOS NEGLECTED TROPICAL DISEASES, vol. 10, ISSN: 1935-2735, doi: 10.1371/journal.pntd.0004585.

25. Addis M.F, Tedde V, Dore S, Pisanu S, Puggioni GM, Roggio AM, Pagnozzi D, Lollai S, Cannas EA, Uzzau S (2016). Evaluation of milk cathelicidin for detection of dairy sheep mastitis. JOURNAL OF DAIRY SCIENCE, vol. 99, p. 6446-6456, ISSN: 1525-3198, doi: 10.3168/jds.2015-10293.

26. Pisano M, Palomba A, Tanca A, Pagnozzi D, Uzzau S, Addis M.F, Dettori M.A, Fabbri D, Palmieri G, Rozzo C (2016). Protein expression changes induced in a malignant melanoma cell line by the curcumin analogue compound D6. BMC CANCER, vol. 16, ISSN: 1471-2407, doi: 10.1186/s12885-016-2362-6.

27. Addis M.F, Tanca A, Landolfo S, Abbondio M, Cutzu R, Biosa G, Pagnozzi D, Uzzau S, Mannazzu I (2016). Proteomic analysis of Rhodotorula mucilaginosa: dealing with the issues of a non-conventional yeast. YEAST, vol. 33, p. 433-449, ISSN: 1097-0061, doi: 10.1002/yea.3162.

28. Ghisaura S, Loi B, Biosa G, Baroli M, Pagnozzi D, Roggio T, Uzzau S, Anedda R, Addis M.F (2016). Proteomic changes occurring along gonad maturation in the edible sea urchin Paracentrotus lividus. JOURNAL OF PROTEOMICS, vol. 144, p. 63-72, ISSN: 1876-7737, doi: 10.1016/j.jprot.2016.05.035.

29. Ghisaura S, Loi B, Biosa G, Baroli M, Pagnozzi D, Roggio T, Uzzau S, Anedda R, Addis M.F (2016). Proteomic dataset of Paracentrotus lividus gonads of different sexes and at different maturation stages. DATA IN BRIEF, vol. 8, p. 824-827, ISSN: 2352-3409, doi: 10.1016/j.dib.2016.06.037.

30. Tanca A, Palomba A, Fraumene C, Pagnozzi D, Manghina V, Deligios M, Muth T, Rapp E, Martens L, Addis M.F, Uzzau S (2016). The impact of sequence database choice on metaproteomic results in gut microbiota studies. MICROBIOME, vol. 4, ISSN: 2049-2618, doi: 10.1186/s40168-016-0196-8.

31. Pisanu S, Pagnozzi D, Pes M, Pirisi A, Roggio T, Uzzau S, Addis M.F (2015). Differences in the peptide profile of raw and pasteurised ovine milk cheese and implications for its bioactive potential. INTERNATIONAL DAIRY JOURNAL, vol. 2015, p. 26-33, ISSN: 0958-6946, doi: 10.1016/j.idairyj.2014.10.007.

32. Pisanu S, Cubeddu T, Pagnozzi D, Rocca S, Cacciotto C, Alberti A, Marogna G, Uzzau S, Addis M.F (2015). Neutrophil extracellular traps in sheep mastitis. VETERINARY RESEARCH, vol. 46, ISSN: 0928-4249, doi: 10.1186/s13567-015-0196-x.

33. Tanca A, Palomba A, Pisanu S, Deligios M, Fraumene C, Manghina V, Pagnozzi D, Addis M.F, Uzzau S (2014). A straightforward and efficient analytical pipeline for metaproteome

characterization. MICROBIOME, vol. 2, ISSN: 2049-2618, doi: 10.1186/s40168-014-0049-2.

34. Pagnozzi D, Biosa G, Addis M.F, Mastrandrea S, Masala G, Uzzau S (2014). An easy and efficient method for native and immunoreactive Echinococcus granulosus antigen 5 enrichment from hydatid cyst fluid. PLOS ONE, vol. 9, ISSN: 1932-6203, doi: 10.1371/journal.pone.0104962.

35. Caterino M, Aspesi A, Pavesi E, Imperlini E, Pagnozzi D, Ingenito L, Santoro C, Dianzani I, Ruoppolo M (2014). Analysis of the interactome of ribosomal protein S19 mutants. PROTEOMICS, vol. 14, p. 2286-2296, ISSN: 1615-9861, doi: 10.1002/pmic.201300513.

36. Tanca A, Abbondio M, Pisanu S, Pagnozzi D, Uzzau S, Addis M.F (2014). Critical comparison of sample preparation strategies for shotgun proteomic analysis of formalin-fixed, paraffin-embedded samples: insights from liver tissue. CLINICAL PROTEOMICS, vol. 11, ISSN: 1542-6416, doi: 10.1186/1559-0275-11-28.

37. Salvatore E, Pes M, Falchi G, Pagnozzi D, Furesi S, Fiori M, Roggio T, Addis M.F, Pirisi A (2014). Effect of whey concentration on protein recovery in fresh ovine ricotta cheese. JOURNAL OF DAIRY SCIENCE, vol. 97, p. 4686-4694, ISSN: 1525-3198, doi: 10.3168/jds.2013-7762.

38. Ghisaura S, Anedda R, Pagnozzi D, Biosa G, Spada S, Bonaglini E, Cappuccinelli R, Roggio T, Uzzau S, Addis M.F (2014). Impact of three commercial feed formulations on farmed gilthead sea bream (Sparus aurata, L.) metabolism as inferred from liver and blood serum proteomics. PROTEOME SCIENCE, vol. 12, ISSN: 1477-5956, doi: 10.1186/s12953-014-0044-3.

39. Tanca A, Pisanu S, Biosa G, Pagnozzi D, Antuofermo E, Burrai GP, Canzonieri V, Cossu-Rocca P, De Re V, Eccher A, Fanciulli G, Rocca S, Uzzau S, Addis M.F (2013). Application of 2D-DIGE to formalin-fixed diseased tissue samples from hospital repositories: results from four case studies. PROTEOMICS. CLINICAL APPLICATIONS, vol. 7, p. 252-263, ISSN: 1862-8354, doi: 10.1002/prca.201200054.

40. Pisanu S, Marogna G, Pagnozzi D, Piccinini M, Leo G, Tanca A, Roggio AM, Roggio T, Uzzau S, Addis M.F (2013). Characterization of size and composition of milk fat globules from Sarda and Saanen dairy goats. SMALL RUMINANT RESEARCH, ISSN: 0921-4488.

41. Tanca A, Biosa G, Pagnozzi D, Addis M.F, Uzzau S (2013). Comparison of detergent-based sample preparation workflows for LTQ-Orbitrap analysis of the Escherichia coli proteome. PROTEOMICS, vol. 13, p. 2597-2607, ISSN: 1615-9861, doi: 10.1002/pmic.201200478.

42. Tanca A, Palomba A, Deligios M, Cubeddu T, Fraumene C, Biosa G, Pagnozzi D, Addis M.F, Uzzau S (2013). Evaluating the impact of different sequence databases on metaproteome analysis: insights from a lab-assembled microbial mixture. PLOS ONE, vol. 8, ISSN: 1932-6203, doi: 10.1371/journal.pone.0082981.

43. Cacciotto C, Addis M.F, Coradduzza E, Carcangiu L, Nuvoli A.M, Tore G, Dore G.M, Pagnozzi D, Uzzau S, Chessa B, Pittau M, Alberti A (2013). Mycoplasma agalactiae MAG_5040 is a Mg2+-dependent, sugar-nonspecific SNase recognised by the host humoral response during natural infection. PLOS ONE, vol. 8, ISSN: 1932-6203, doi: 10.1371/journal.pone.0057775.

44. Addis M.F, Pisanu S, Marogna G, Cubeddu T, Pagnozzi D, Cacciotto C, Campesi F, Schianchi G, Rocca S, Uzzau S (2013). Production and release of antimicrobial and immune defense proteins by mammary epithelial cells following Streptococcus uberis infection of sheep. INFECTION AND IMMUNITY, vol. 81, p. 3182-3197, ISSN: 0019-9567, doi: 10.1128/IAI.00291-13.

45. Babudieri S, Soddu A, Nieddu P, Tanca A, Madeddu G, Addis M.F, Pagnozzi D, Cossu-Rocca P, Massarelli G, Dore M.P, Uzzau S, Mura M.S (2013). Proteomic characterization of hepatitis C eradication: enzyme switch in the healing liver . JOURNAL OF CLINICAL VIROLOGY, vol. 57, p. 274-278, ISSN: 1386-6532, doi: 10.1016/j.jcv.2013.03.002.

46. Imperlini E, Colavita I, Caterino M, Mirabelli P, Pagnozzi D, Del Vecchio L, Di Noto R, Ruoppolo M, Orrù S (2013). The secretome signature of colon cancer cell lines. JOURNAL OF CELLULAR BIOCHEMISTRY, vol. 114, p. 2577-2587, ISSN: 1097-4644, doi: 10.1002/jcb.24600.

47. Infusini G, Iannuzzi C, Vilasi S, Maritato R, Birolo L, Pagnozzi D, Pucci P, Irace G, Sirangelo I (2013). W-F substitutions in apomyoglobin increase the local flexibility of the N-terminal region causing amyloid aggregation: a H/D exchange study. PROTEIN & PEPTIDE LETTERS, vol. 20, p. 898-904, ISSN: 1875-5305, doi: 10.2174/09298665113200800006.

48. Addis M.F, Pisanu S, Preziosa E, Bernardini G, Pagnozzi D, Roggio T, Uzzau S, Saroglia M, Terova G (2012). 2D DIGE/MS to investigate the impact of slaughtering techniques on postmortem

integrity of fish filet proteins. JOURNAL OF PROTEOMICS, vol. 75, p. 3654-3664, ISSN: 1876-7737, doi: 10.1016/j.jprot.2012.04.021.

49. Pisanu S, Ghisaura S, Pagnozzi D, Falchi G, Biosa G, Tanca A, Roggio T, Uzzau S, Addis M.F (2012). Characterization of sheep milk fat globule proteins by two-dimensional polyacrylamide gel electrophoresis/mass spectrometry and generation of a reference map. INTERNATIONAL DAIRY JOURNAL, ISSN: 0958-6946.

50. Tanca A, Pagnozzi D, Burrai G.P, Polinas M, Uzzau S, Antuofermo E, Addis M.F (2012). Comparability of differential proteomics data generated from paired archival fresh-frozen and formalin-fixed samples by GeLC-MS/MS and spectral counting. JOURNAL OF PROTEOMICS, vol. 21, p. 561-576, ISSN: 1876-7737, doi: 10.1016/j.jprot.2012.09.033.

51. Tanca A, Addis M.F, Simula M.P, Pagnozzi D, Biosa G, Pisanu S, Garziera M, Cannizzaro R, Canzonieri V, De Re V, Uzzau S (2012). Evaluation of the suitability of archival Bouin-fixed paraffin-embedded tissue specimens to proteomic investigation. ELECTROPHORESIS, vol. 33, p. 1375-1384, ISSN: 1522-2683, doi: 10.1002/elps.201200026.

52. Infusini G, Iannuzzi C, Vilasi S, Birolo L, Pagnozzi D, Pucci P, Irace G, Sirangelo I (2012). Resolution of the effects induced by W →F substitutions on the conformation and dynamics of the amyloid-forming apomyoglobin mutant W7FW14F. EUROPEAN BIOPHYSICS JOURNAL WITH BIOPHYSICS LETTERS, vol. 41, p. 615-627, ISSN: 0175-7571, doi: 10.1007/s00249-012-0829-1.

53. Tanca A, Pagnozzi D, Addis M.F (2012). Setting proteins free: progresses and achievements in proteomics of formalin-fixed, paraffin-embedded tissues. PROTEOMICS. CLINICAL APPLICATIONS, vol. 6, p. 7-21, ISSN: 1862-8354, doi: 10.1002/prca.201100044.

54. Tanca A, Pagnozzi D, Falchi G, Tonelli R, Rocca S, Roggio T, Uzzau S, Addis M.F (2011). Application of 2-D DIGE to formalin-fixed, paraffin-embedded tissues. PROTEOMICS, vol. 11, p. 1005-1011, ISSN: 1615-9853, doi: 10.1002/pmic.201000353.

55. Biosa G, Addis M.F, Tanca A, Pisanu S, Roggio T, Uzzau S, Pagnozzi D (2011). Comparison of blood serum peptide enrichment methods by Tricine SDS-PAGE and mass spectrometry. JOURNAL OF PROTEOMICS, vol. 75, p. 93-99, ISSN: 1874-3919, doi: 10.1016/j.jprot.2011.06.025.

56. Terova G, Addis M.F, Preziosa E, Pisanu S, Pagnozzi D, Biosa G, Gornati R, Bernardini G, Roggio T, Saroglia M (2011). Effects of postmortem storage temperature on sea bass (Dicentrarchus labrax) muscle protein degradation: analysis by 2-D DIGE and MS. PROTEOMICS, vol. 11, p. 2901-2910, ISSN: 1615-9853, doi: 10.1002/pmic.201100073.

57. Tanca A, Pagnozzi D, Falchi G, Biosa G, Rocca S, Foddai G, Uzzau S, Addis M.F (2011). Impact of fixation time on GeLC-MS/MS proteomic profiling of formalin-fixed, paraffin-embedded tissues. JOURNAL OF PROTEOMICS, vol. 74, p. 1015-1021, ISSN: 1874-3919, doi: 10.1016/j.jprot.2011.03.015.

58. Tanca A, Addis M.F, Pagnozzi D, Cossu-Rocca P, Tonelli R, Falchi G, Eccher A, Roggio T, Fanciulli G, Uzzau S (2011). Proteomic analysis of formalin-fixed, paraffin-embedded lung neuroendocrine tumor samples from hospital archives. JOURNAL OF PROTEOMICS, vol. 74, p. 359-370, ISSN: 1874-3919, doi: 10.1016/j.jprot.2010.12.001.

59. Addis M.F, Pisanu S, Ghisaura S, Pagnozzi D, Marogna G, Tanca A, Biosa G, Cacciotto C, Alberti A, Pittau M, Roggio T, Uzzau S (2011). Proteomics and pathway analyses of the milk fat globule in sheep naturally infected by Mycoplasma agalactiae provide indications of the in vivo response of the mammary epithelium to bacterial infection. INFECTION AND IMMUNITY, vol. 79, p. 3833-3845, ISSN: 0019-9567, doi: 10.1128/IAI.00040-11.

60. Pisanu S, Ghisaura S, Pagnozzi D, Biosa G, Tanca A, Roggio T, Uzzau S, Addis M.F (2011). The sheep milk fat globule membrane proteome. JOURNAL OF PROTEOMICS, vol. 74, p. 350-358, ISSN: 1874-3919, doi: 10.1016/j.jprot.2010.11.011.

61. Addis M.F, Cappuccinelli R, Tedde V, Pagnozzi D, Viale I, Meloni M, Salati F, Roggio T, Uzzau S (2010). Influence of Moraxella sp. colonization on the kidney proteome of farmed gilthead sea breams (Sparus aurata, L.). PROTEOME SCIENCE, vol. 8, ISSN: 1477-5956, doi: 10.1186/1477-5956-8-50.

62. Addis M.F, Cappuccinelli R, Tedde V, Pagnozzi D, Porcu M.C, Bonaglini E, Roggio T, Uzzau S (2010). Proteomic analysis of muscle tissue from gilthead sea bream (Sparus aurata, L.) farmed in offshore floating cages. AQUACULTURE, ISSN: 0044-8486.

63. Pagnozzi D, Birolo L, Leo G, Contessi S, Lippe G, Pucci P, Mavelli I (2010). Stoichiometry and topology of the complex of the endogenous ATP synthase inhibitor protein IF(1) with calmodulin. BIOCHEMISTRY, vol. 49, p. 7542-7552, ISSN: 0006-2960, doi: 10.1021/bi100447t.

64. Cacciotto C, Addis M.F, Pagnozzi D, Chessa B, Coradduzza E, Carcangiu L, Uzzau S, Alberti A, Pittau M (2010). The liposoluble proteome of Mycoplasma agalactiae: an insight into the minimal protein complement of a bacterial membrane. BMC MICROBIOLOGY, vol. 25, ISSN: 1471-2180, doi: 10.1186/1471-2180-10-225.

65. ADDIS M.F, TANCA A, PAGNOZZI D, ROCCA S, UZZAU S (2009). 2-D PAGE and MS analysis of proteins from formalin-fixed, paraffin-embedded tissues. PROTEOMICS, vol. 9, p. 4329-4339, ISSN: 1615-9853, doi: 10.1002/pmic.200900010.

66. ADDIS M.F, TANCA A, PAGNOZZI D, CROBU S, FANCIULLI G, COSSU-ROCCA P, UZZAU S (2009). Generation of high-quality protein extracts from formalin-fixed, paraffin-embedded tissues. PROTEOMICS, vol. 9, p. 3815-3823, ISSN: 1615-9853, doi: 10.1002/pmic.200800971.

67. MADDAU L, CABRAS A, FRANCESCHINI A, LINALDEDDU BT, CROBU S, ROGGIO T, PAGNOZZI D (2009). Occurrence and characterization of peptaibols from Trichoderma citrinoviride, an endophytic fungus of cork oak, using electrospray ionization quadrupole time-of-flight mass spectrometry. MICROBIOLOGY, vol. 155, p. 3371-3381, ISSN: 1350-0872, doi: 10.1099/mic.0.030916-0.

68. MANCINI A, BORRELLI A, SCHIATTARELLA A, ALOJ L, AURILIO M, MORELLI F, PICA A, OCCHIELLO A, LORIZIO R, MANCINI R, SICA A, MAZZARELLA L, SICA F, GRIECO P, NOVELLINO E, PAGNOZZI D, PUCCI P, ROMMELAERE J (2008). Biophysical and biochemical characterization of a liposarcoma-derived recombinant MnSOD protein acting as an anticancer agent. INTERNATIONAL JOURNAL OF CANCER, vol. 123, p. 2684-2695, ISSN: 1097-0215, doi: 10.1002/ijc.23791.

69. CABONI P, SARAIS G, ANGIONI A, VARGIU S, PAGNOZZI D, CABRAS P, CASIDA JE (2008). Liquid chromatography-tandem mass spectrometric ion-switching determination of chlorantraniliprole and flubendiamide in fruits and vegetables. JOURNAL OF AGRICULTURAL AND FOOD CHEMISTRY, vol. 56, p. 7696-7699, ISSN: 0021-8561, doi: 10.1021/jf8014816.

70. PLAKOUTSI G, BEMPORAD F, MONTI M, PAGNOZZI D, PUCCI P, CHITI F (2006). Exploring the mechanism of formation of native-like and precursor amyloid oligomers for the native acylphosphatase from Sulfolobus solfataricus. STRUCTURE, ISSN: 0969-2126.

71. GARZIA L, ROMA C, TATA N, PAGNOZZI D, PUCCI P, ZOLLO M (2006). H-prune-nm23-H1 protein complex and correlation to pathways in cancer metastasis. JOURNAL OF BIOENERGETICS AND BIOMEMBRANES, ISSN: 0145-479X.

72. DI GAETANO S, GUGLIELMI F, ARCIELLO A, MANGIONE P, MONTI M, PAGNOZZI D, RAIMONDI S, GIORGETTI S, ORRÙ S, CANALE C, PUCCI P, DOBSON CM, BELLOTTI V, PICCOLI R (2006). Recombinant amyloidogenic domain of ApoA-I: analysis of its fibrillogenic potential. BIOCHEMICAL AND BIOPHYSICAL RESEARCH COMMUNICATIONS, ISSN: 0006-291X.

73. VERDE C, BALESTRIERI M, DE PASCALE D, PAGNOZZI D, LECOINTRE G, DI PRISCO G (2006). The oxygen transport system in three species of the boreal fish family Gadidae. Molecular phylogeny of hemoglobin. THE JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY, ISSN: 0021-9258.

74. MONTI M, ORRÙ S, PAGNOZZI D, PUCCI P (2005). Functional proteomics. CLINICA CHIMICA ACTA, 357 (2), pp. 140-150, ISSN: 0009-8981.

75. MONTI M, ORRÙ S, PAGNOZZI D, PUCCI P (2005). Interaction proteomics. BIOSCIENCE REPORTS, 25 (1-2), pp. 45-56, ISSN: 0144-8463.

Responsabilità Scientifica di Progetti

- PI per Porto Conte Ricerche e WP leader dell'ITN "Innovative approaches to identification of metabolic Targets for antimicrobials – INNOTARGETS" (Marie Skłodowska-Curie grant agreement No 956154) Il progetto INNOTARGETS prevede la formazione e la mobilità (internazionale, intersettoriale e interdisciplinare) di giovani ricercatori, con l'obiettivo di renderli futuri leader di un team di lavoro all'interno dell'industria o del mondo accademico e diventare esperti nella ricerca di bersagli metabolici dei farmaci in batteri patogeni. Dal 01.03.2021 ad oggi.
- Responsabile per Porto Conte Ricerche del progetto "Analisi proteomica della forma larvale di Echinococcus granulosus", con l'obiettivo di caratterizzare la composizione proteica del

liquido cistico idatideo e valutare lo sviluppo di un metodo diagnostico privo di cross-reattività verso altre parassitosi che colpiscono gli ovini. In collaborazione con l'Istituto Zooprofilattico Sperimentale della Sardegna (IZS). dal 15-12-2017 al 14-12-2019.

- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Art 9 LR 20-2015. Incarico di responsabile scientifico per l'attività "3D - Development of Diagnostic Devices", volto allo sviluppo ed all'implementazione di nuovi sistemi diagnostici basati su metodi immunoenzimatici o spettrometria di massa (targeted MS), dal 01-01-2018 al 31-12-2020.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Art 9 LR 20-2015. Incarico di responsabile scientifico per l'attività "Diagnostici multiantigen per l' echinococcosi cistica-DIMULEC", mirata all'ottenimento di un panel di antigeni purificati e/o sintetizzati come candidati per la realizzazione di un test diagnostico immunoenzimatico "multiantigen" dal 01-07-2017 a oggi.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Art 9 LR 20-2015 . Incarico di responsabile scientifico per l'attività "Marcatori Microbici nel Latte - MAMILA", mirata a sviluppare metodi di estrazione, frazionamento e caratterizzazione delle proteine microbiche presenti nel latte ovino, dal 01-07-2017 al 31-12-2020.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Art 9 LR 20-2015. Incarico di responsabile scientifico per l'attività "Immunodiagnostici per il Point - of – Care - IMMUNOPOC", avente come obiettivo l'allestimento di una piattaforma strumentale e metodologica per la realizzazione di dispositivi immunodiagnostici da campo, dal 01-07-2017 al 31-12-2017.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Art 9 LR 20-2015. Incarico di responsabile scientifico per l'attività "Pan - Catelicidina in matrici biologiche di interesse veterinario - VETCAT", mirata all'implementazione del test ELISA per la pan - Catelicidina su differenti matrici biologiche, dal 01-07-2017 al 31-12-2017.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Art 9 LR 20-2015. Incarico di responsabile scientifico per l'attività "Marcatori per l'Echinoccosi cistica - MARECCIS", mirata allo sviluppo di metodiche analitiche per la ricerca nel siero di marcatori proteici di echinococcosi cistica, dal 01-07-2017 al 31-12-2020.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Incentivo Ricerca Polaris. Incarico di responsabile scientifico del progetto "Diagnostici per ANimali Da REddito e da Affezione (D.AN.D.RE.A)", avente come obiettivo l'identificazione di marcatori proteici, mediante approcci di proteomica, e sviluppo di un sistema diagnostico basato su metodi immunoenzimatici nell'ambito di cardiomiopatia felina e mastite ovina, dal 08-08-2016 al 31-12-2019.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Art. 26 LR 37/98. Incarico di responsabile scientifico per l'attività "Identificazione di marcatori molecolari associati ad Echinococcosi Cistica, una zoonosi ad elevato impatto economico e sociale in Sardegna" dal 02-02-2015 al 30-06-2016.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Art. 26 LR 37/98. Incarico di responsabile scientifico per l'attività "Programma di sviluppo e applicazione di nuovi strumenti diagnostici e nuove tecnologie che migliorino le performance di diagnostici (inclusi POC), modelli predittivi, monitoraggio ed intervento terapeutico, con impatto significativo sulla salute umana e animale", dal 02-02-2015 al 30-06-2016.
- Partecipazione alle attività del progetto europeo "Human cystic Echinococcosis ReseArch in CentraL and Eastern Societies - Heracles" (VII FP), in qualità di responsabile per Porto Conte Ricerche per le attività di caratterizzazione dell'host-parasite interplay nelle varie fasi di sviluppo della patologia (attraverso analisi proteomiche) e sviluppo di saggi immunoenzimatici su biomarcatori individuati, purificati o sintetizzati presso Porto Conte Ricerche, dal 01-10-2015 al 30-09-2018.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna, Art. 26 LR 37/98. Incarico di responsabile scientifico per l'attività "Programma art. 26-2013, Funzione Obiettivo 2.5, Sviluppo di tecnologie diagnostiche a partire dai risultati delle attività di biomarker discovery nel Parco", avente come obiettivo lo sviluppo di un sistema ELISA mirato alla diagnosi dell'echinococcosi cistica umana, sulla base dei marcatori proteici individuati mediante approcci proteomici nei precedenti programmi, dal 08-01-2014 al 31-12-2015.
- Finanziamento della Regione Autonoma della Sardegna (POR FESR Sardegna 2007-2013), Azioni Cluster Top Down "QUALIFYORE-Nuovi strumenti per la tutela e la valorizzazione del

formaggio Fiore Sardo DOP". Responsabile scientifico WP4 (Definizione del profilo peptidomico dei formaggi e individuazione delle proprietà benefiche sul consumatore), dal 29-03-2014 al 30-09-2015.

- Partecipazione alle attività del progetto "Caratterizzazione del proteoma del mutante sigE di Mycobacterium tuberculosis", in collaborazione con il Dipartimento di Istologia Microbiologia e Biotecnologie Mediche dell'Università degli Studi di Padova, in qualità di responsabile per Porto Conte Ricerche per le attività di estrazione, frazionamento ed identificazione delle proteine espresse e valutazione delle proteine differenziali del ceppo wt H37Rv e del mutante sigE di M. tubercolosis, dal 23-02-2011 al 31-12-2011.
- Partecipazione alle attività del progetto "Identificazione dei siti di fosforilazione sulla proteina Sec8 ad opera della chinasi LRRK2", in collaborazione con il Dipartimento di Scienze Fisiologiche Biochimiche e Cellulari dell'Università degli Studi di Sassari, in qualità di responsabile per Porto Conte Ricerche per le attività di caratterizzazione dei siti di fosforilazione della proteina Sec8, in vivo ed in vitro, mediante spettrometria di massa, dal 22-02-2011 al 31-12-2011.

Organizzazione di Congressi, ummer School/Scientific School e Corsi di Formazione

- Organizzazione del training course in proteomics nell'ambito dell'ITN "Innotargets" ((Marie Skłodowska-Curie grant agreement No 956154), dal 16-05-2022 al 19-05-2022.
- Organizzazione della scientific school internazionale "Understanding and Controlling Dairy Ruminant Mastitis", Porto Conte Ricerche, Alghero (SS) dal 04-09-2017 al 09-09-2017.
- Organizzazione della scientific school internazionale "Microbial Proteomics and Metaproteomics", Porto Conte Ricerche, Alghero (SS) dal 13-06-2017 al 16-06-2017.
- Organizzazione e chairperson al congresso "Massa 2015", Alghero (SS) dal 10-06-2015 al 12-06-2015.
- Organizzazione della summer school internazionale "Gel-Based Proteomics: a practical course" (patrocinata dalla European Proteomics Association, EuPA), Porto Conte Ricerche, Alghero (SS) dal 01-07-2013 al 05-07-2013.
- Organizzazione della summer school internazionale "International Summer School on Proteomics: A Hands-on Course for agriculture, health and food sciences", Porto Conte Ricerche, Alghero (SS) dal 07-09-2011 al 11-09-2011.
- Corso di formazione - Tecnologie strumentali applicate alle biotecnologie, in qualità di docente del modulo "Spettrometria di Massa", Settembre-Dicembre 2009.

Presentazioni Orali a Convegni/Congressi

- "Diagnostic accuracy of a multiantigen Ag5/AgB1 based immunoassay", "Heracles, final meeting". ISS, Roma, dal 17-09-2018 al 18-09-2018.
- "Targeted MS and its applications in Diagnostics", open day della Scientific School "Focus on Small Ruminant Mastitis". Porto Conte Ricerche, Alghero (SS), dal 14-06-2018 al 15-06-2018.
- "From protein extracts to spectra: whys and hows", durante il corso "Microbial Proteomics, nell'ambito della Scientific School "Microbial Proteomics and Metaproteomics". Porto Conte Ricerche, Alghero (SS), dal 13-06-2017 al 16-06-2017.
- "What can proteomics do for CE? A proposal for investigating the host-parasite interplay at different cyst stages" , "Heracles annual meeting". Bucarest, dal 01-10-2015 al 02-10-2015.
- "Programma di sviluppo di tecnologie diagnostiche a partire dei risultati delle attività di biomarker discovery nel Parco", nell'ambito del Convegno "Ricerca, Sviluppo, Formazione, Innovazione e Trasferimento Tecnologico". Porto Conte Ricerche, Alghero (SS), 04-04-2016.
- "Le biopsie fissate: una preziosa risorsa per la ricerca biomedica", nell'ambito del Convegno "La ricerca industriale: strumento di crescita per le imprese". Porto Conte Ricerche, Alghero (SS), 11-12-2013.
- "Human Prune Complexes Involved In Metastatic Pathways", "Proteine 2006". Novara, dal 01-06-2006 al 03-06-2006.

Riconoscimenti e premi

- Abilitazione Scientifica Nazionale del MIUR alle funzioni di Professore Universitario di seconda fascia nel settore 05/E3, Biochimica clinica e Biologia molecolare clinica, conseguita il 5/10/2018.
- Premio "Data set of the week" (2013/8/6) assegnato da "The Global Proteome Machine" per l'articolo "Comparison of detergent-based sample preparation workflows for LTQ-Orbitrap analysis of the Escherichia coli proteome" Overall rating: three stars - excellent data (worth study). Consultabile su http://www.thegpm.org/dsotw_2013.html dal 06-08-2013 al 14-08-2013.
- Immagine di copertina sulla rivista Proteomics (Volume 11, Numero 5, anno 2011) per l'articolo "Application of 2-D DIGE to formalin-fixed, paraffin-embedded tissues", dal 01-02-2011 al 28-02-2011.

Brevetti

Domanda di brevetto europeo N. WO/2011/150974 "Biomarkers for Lung Neuroendocrine Tumors".

Domanda di brevetto nazionale N. 102021000009563 " Markers biologici per la rilevazione della cardiomiopatia felina e relativo kit diagnostico".

Dati personali

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

Olmedo, 01/09/2022

Firma